## PATENT ABSTRACTS OF JAPAN

(11)Publication number:

11-290073

(43) Date of publication of application: 26.10.1999

(51)Int.Cl.

C12N 15/09 A61K 47/42 A61K 48/00 CO7K 9/00 CO7K 14/00

(21)Application number: 10-122851

(71)Applicant : AJINOMOTO CO INC

(22)Date of filing:

16.04.1998

(72)Inventor: NITOME TAKURO

**AOYANAGI HARUHIKO** 

(54) SACCHARIDE-MODIFIED PEPTIDE DERIVATIVE CAPABLE OF TRANSFERRING GENE SPECIFICALLY INTO HEPATOCYTE, ITS PRODUCTION AND PHARMACEUTICAL COMPOSITION CONTAINING THE SAME

(57) Abstract:

PROBLEM TO BE SOLVED: To obtain the subject new derivative capable of transferring a gene specifically into hepatocytes and useful as e.g. a gene therapeutic agent for hepatic disorders in combination with a DNA, by modifying an amphiphilic α-helix peptide having genetransferring capability with galactose group(s). SOLUTION: This new saccharide-modified peptide derivative is such one as to be expressed by e.g. formula I [P is an amphiphilic  $\alpha$ -helix peptide group; Q is a direct bond-forming group or a bond-forming group expressed by the formula: NH(CH2CH2)fCH2CO ((f) is 1-10); K is a lysine residue; A is a direct bond-forming group, bondforming group expressed by the formula; NH(CH2CH2 O) hCH2CO ((h) is 1-10) or the formula NH(CH2)jCO [(j) is 1-6;] (m) is 0-3; (n) is 1-3; Z is a group having galactose group (s)] and to be capable of transferring a gene and to consist of a-helix peptide modified with galactose group(s) and to be useful as e.g. a therapeutic agent for

J (Z-A-K)m Z-(-A-K-)n-Q-P

(A-K)m Π (A-K) Q-P

hepatic disorders. This derivative is obtained by reductive amination of e.g. a peptide expressed by formula II with lactose to introduce at least one galactose group into the peptide.

(19)日本国特許庁(JP)

# (12) 公開特許公報(A)

(11)特許出願公開番号

# 特開平11-290073

(43)公開日 平成11年(1999)10月26日

(51) lnLCl. <sup>6</sup>		識別記号	Ρí		
C12N	15/09		C12N	15/00	Λ
A 6 1 K	47/42		A61K	47/42	Z
	48/00	ACS		48/00	ACS
C07K	9/00	7 N A	C07K	9/00	ZNA
	14/00			14/00	

審査請求 未請求 請求項の数11 FD (全 7 頁)

(21)出願番号 特願平10-122851

特許法第30条第1項適用中請有り 平成9年11月1日~ 11月2日 社団法人日本化学会主催の「日本化学会九州 支部・词中国四国支部合同大会」において文書をもって 発表 (71)出願人 000000066

味の素株式会社

東京都中央区京借1丁月15番1号

(7%)発明者 新留 琢郎

長崎県長崎市田平町384-1-1-42

(72) 発明者 青柳 東彦

長崎県西彼杵郡長与町三根郷53-130-6

-42

(74)代理人 弁理士 石田 歳昌 (外1名)

## (54) 【発明の名称】 『肝細胞特異的に遺伝子導入可能な精修節ペプチド誘導体、その製造法及びそれを含む医菜組成物

## (57)【要約】 (修正有)

【課題】細胞への遺伝子導入能を持つ両親媒性のヘリックスペプチドを利用して遺伝病患者の肝臓への正常遺伝子導入やアンチセンス効果による遺伝子発現制御を行うための遺伝子導入用キャリアー、及びこれを遺伝子DNA又はアンチセンスDNAと共に含わする肝臓の疾患治療剤を提供する。

【解決手段】ペプチド合成により両親媒性の一へリックスペプチドの未端に分岐型は骨格を有するペプチドエニットを調製し、環元アミノ化によりガラクトース残基を分岐鎖末端アミノ基に導入することにより得られる糖修師ペプチド誘導体が、リジン選基の数でガラクトースの個数を規定しうる肝細胞特異的遺伝子導入用キャリアーとして使用し、これを遺伝子DAXはアンチセンスDAと共に、都電的に結合した形で肝細胞にとり込ませることにより肝臓特異的な遺伝子医薬品組成物を提供する。

### 【特許請求の範囲】

【請求項1】遺伝子夢人能を有する両親媒性のαヘリックスペプチドが、ガラクトース基で修飾された肝和胞特異的に遺伝子導入可能な糖修師ペプチド誘導体、

【請求項2】肝細胞表面に特異的に存在するアシア17糖蛋白質レセフターに対する認識能を有し、リジンの分岐型リガンドを結合した請求項1記載の誘導体。

【請求項3】ガラクトース基がリジン分岐型リガンドのアミノ基の全て大は一部を修飾する請求項2記載の誘導体。

【請求項1】肝細胞特異的遺伝子導入用ベクターである 請求項1記載の誘導体。

【請求項う】aへリックスペプチドがDスペクトルを使用した測定によるペペリックス含量が少なくとも40%であり、ペリックス構造モデリングにより片面に疎水性アミノ酸が、片面にリジン又はアルギニンから成る親水性アミノ酸の概基が局在することにより両親媒性を示す、全アミノ酸12~36残基から構成され、ガラクトース基がラクトース由来の基である請求項1記載の誘導体。

【請求項6】下記一般式(1)で示される糖修飾ペプチド設導体を含む請求項1記載の設準体。

【化1】

【請求項で】Aがガアラニン幾基を表す請求項も記載の 誘導体、

【請求項8】"該式中、りが示す式中の」「が1である請求項6記載の該導体。

【請求項9】"該式中、PがN末端から式:一MNL-LARL-LARL-LRAL-LRAL-LRAL-NL"で示されるペプチド残基を表 す請求項6記載の誘導体。但し、上記式中、Wはトリプトファン残基を、Aはアラニン残基を、Rはアルギニン 残基を及びしはロイシン残基を、それぞれ表す。 【請求項10】請求項1乃至9記載の誘導体を含むベクターと遺伝子DVA又はアンチセンスDVAとを含有することを特徴とする肝細胞特異的遺伝子医薬品組成物。

【請求項11】下記一般式(II)で示されるペプチドスは当該ペプチドにおいて一部アミノ基がガラクトース基で修飾されたペプチドと、ラクトースとを、還元アミノ化法により反応させて少なくとも1個のガラクトース基を導入することを特徴とする下記一般式(I)で示される糖修飾ペプチド誘導体の製造法。

#### 【化2】

【化3】

上記式中、Pは両親媒性αヘリックスペフチド基を表し、Qは直接結合手又は式: -NII-(CD<sub>2</sub>CD<sub>2</sub>O)<sub>4</sub> -CD<sub>2</sub>COO の一で示される結合手を表し、Kはリジン残基を表し、A は直接結合手、式: -NH -(CH<sub>2</sub>O)<sub>3</sub> -COO で示される結合手及が式: -NH -(CH<sub>2</sub>O)<sub>3</sub> -COO で示される結合手の何れかを表し、それぞれ、mはO 内至3、nは1 乃至3、「は1 乃至1 O、方は1 乃至6の、0 又は極数を表す、尚、nが1 以上の整数を表す場合、記号mは複数存在するが、当該複数の記号mは全て相互に独立していて整数又は O を表し、2 はガラクトース基を含む基を表す。複数存在する記号2は、全て相互に異なる構造を有していてもよく、又複数結合する2基の一部は脱離していてもよい。

#### 【発明の詳細な説明】

#### [0001]

【発明の属する技術分野】本発明は、肝相胞特異的遺伝子導入で表示にな新規糖修師ペプチド誘導体、詳しくは遺伝子導入能を持つ両親媒性α・ヘリックスペプチドと、肝細胞表面特異的に発現しているアシアロ糖蛋白質レセプター(ASGR)に対する認識能を持つようにガラクトース基を末端に導入した分校型リジンとがアミド結合を形成してなる糖修師ペプチド誘導体、その製造法及び当該糖修師ペプチド誘導体で含有する医薬組成物に関する。

【0002】本発明の特修師ペプチド誘導体は、ペプチド合成技術を用いて骨格構造、特にガラクトース基準入部分を簡易に調製でき、両親媒性のαーヘリックスペプチド部分が遺伝子導入能を持ち、分枝型糖鎖がASGRの認識能を持つことから、肝和胞に特異的空遺伝子の導入が可能であり、アンチセンス医薬、遺伝子治療等の有効成分として有用である。

#### [0003]

【従来の技術】近年、遺伝子治療、アンチセンスDNAによる医薬品開発が注目を集め、DNAを標的和胞に効率よく輸送するキャリアー分子の開発が盛んに行われている。現在、遺伝子治療への応用を目的とした遺伝子導入法の多くはウイルスペクターを利用したものであるが、ウイルス本体の安全面での問題を考慮した、非ウイルスペクターの研究も進んできている。

【0004】非ウイルスペクターとしては、カチオニックリボソーム法が最も盛んに行われているが、特定和胞にターゲティングが行なうのが困難な点や細胞内に取り込まれた遺伝子の核への輸送効率等の課題を残している。このような観点から細胞表面に特異的に発現している受容体に特異的なリガンドとの結合を利用することによる特定細胞への遺伝子導入が検討された。この受容体介在型遺伝子導入法はリガンドとDNAとの複合体を生成し、リガンドに特異的な受容体を持つ細胞へ遺伝子導入を行うものである。

【0005】中でも、血清糖蛋白質の肝腸への取り込み を担っており、肝和胞に特異的に発現しているアンプロ 糖蛋白質瓷容体(ASGR)は、認識可能なリガンド構造や その結合能との関係が分かっていることから遺伝了導入 の偲的として注目されてきた。因えば、風等はポリリジ ンを架橋削として天然捕鎖型リガンドを持つアシアロオ 17ソムコイド (ASOR) -クロラムフェニコールアセチル トランスフェラーゼ(CAT)遺伝子複合体を測製し、イ ンビボ (in vivo) での遺伝子導入を行い、肝細胞への 特異的な発現を確認している (ku.C.H. el al., J.Bio 1.Chem., 263, 14621-14624(1988): K.u. C.II. et al... J.Biol. Chem., 264, 16985-16987 (1989) 参照。)。Mampre el等磁ウシ血清蛋白質であるFeluinから単常した天然糖 鎖とポリリジンとを化学合成により結合させたより低分 了量のキャリアーを用い、培養肝癌細胞への遺伝子導入 を行った(Mangreel S. el al., Bioconjugale Chem. 6.283-291(1995)参照。)。

【0006】 方、PlankやMerwin等は分後型リジン或いはTris (hydroxymethyl) amino-methaneを用いてラクトース又はN・アセチルガラクトサミンを未増に組合させた人工リガンドを合成し、木リガンドとボリリジンとから成る、更に単純な構造を持つキャリアーによるASGRを介した培養細胞への遺伝子導入を行った(PlankC. el. al., Bioconjugate chem., 3(6) 533-539が(1992): Merwin JR. et al., Bioconjugate chem., 5(6) 612-620(1994)参照、)、

【0007】しかし、これ等の方法では何れも導入遺伝子がASGRを発現している細胞内でのINA分解によって急速に標的細胞 組織から消失して、導入遺伝子発現期間が短い、或いは発現効率が低く空っている。

【0008】これ<sub>位</sub>細胞内にエンドサイトーシスによって取り込まれた導人道伝子がエンドソームとライソソー

ムの融合により分解されるためであると考えられる。即ち、細胞内へ導入されたDNAとボリリジンとの凝集体はDNAがむき出しになっているため、細胞内区はインビボ (in vivo) においてDNascにより容易に分解されるためである。メ、ホリリジンは分子量分布を持つ構造不均一な化合物であるため、医薬品の実際の開発への利用には困難が伴う。

【0009】本発明者等は、このような問題点を解決す るためホリリジンに代わり遺伝子と静電的結合が可能 で、かつ細胞内への遺伝子導入能を併せ持つ両親媒性は -ヘリックスペプチドの利用を試みた(Niidome T el a 1., J.Biol.Chem. 272,24, 15307-15312 (1997)-≱ 照。)。このα-ヘリックスへプチドは親水性領域のArg によるプラスチャージによりDNAと結合し、もう一方の 碓水性領域同士の相互作用により凝集体を形成する。こ のような安定な凝集体形成能と疎水性領域によるリン脂 質膜破壊活性を行することにより、木ベブチドはボリリ ジンに比べ細胞への遺伝子導入能が優れていることが子 想された。実際、導入能が最も高い24種類のアミノ酸機 基から成る母。ヘブチドの遺伝子導入能は、ポリリジン のそれと比較して約30倍高かった(Nildome, T. el a I., J. Biol. Chem. 272,24, 15307-15312(1997) 参 照。),

【0010】そこで本発明者等は遺伝子導入能を有する新しい両親媒性なヘリックスペプチドに、特定細胞においてのみ発現している受容体に対するリガンドを導入することにより、特定細胞のみへの遺伝子導入が明待できることに注目した、このようなな一へリックスペプチドについては本発明者等の他にWyman等も遺伝子導入能を有することを示しているものの(byman、T. et al., Bi ochemistry 36、3008-3017(1997)参照、)、受容体に対するリガンド導入による効果に関する知見はこれまで全く知られてい空い。

#### [0011]

【発明が解決しようとする課題】本発明の目的は、細胞への遺伝子導入能を持つ両視媒性のヘリックスペプチドを利用して該ペプチドの末端にASGRに対するリガンドを導入したキャリアーと遺伝子区はアンチセンスオリゴヌクレオチドとから調製した凝集体を肝細胞特異的に取り込ませ、遺伝病患者への肝臓への正常遺伝子導入や肝臓でのアンチセンス効果による遺伝子発規制御を行うための、肝細胞特異的遺伝子導入用キャリアーの開発及びそれと遺伝子DNA又はアンチセンスDNAとを含有して当該DNA等を肝臓の疾患治療剤となる薬剤を提供することにある。

## [0012]

【課題を解決するための手段】本発明者等はペプチド合成により両親媒性αーヘリックスペプチドの末端に分枝型リジン(Lys)骨格を有するペプチドユニットを調製し、ラクトースと核ペプチドユニットとを還元アミノ化

により反応させてガラクトース基を分枝鎖未端アミノ基 に導入することにより、リジン残基の数でガラクトース の個数を規定しうる遺伝予導入用キャリアーを簡便に割 要し得ることを見出した。

【0013】更に、レホーター運伝子としてルシフェラーゼをコードしたフラスミドDAを用いて糖修飾ペプチドと複合体を形成させることにより、培養肝癌細胞 Itall 一つへのASGRを介した運伝子導入が可能であるとの知見を得た。又、その導入効率はガラクトース基の修飾個数に依存しながら高くなるとの知見を得た。木発明者等はかかる土記知見に基づいて本発明を完成するに到った。

【0011】更に、本発明の目的絵画親媒性はヘリック スペプチドに導入するガラクトース基の個数を自由に測 節しうる、簡便な肝細胞特異的遺伝子導入用キャリプー の製造法を提供することにある。即ち、本発明は遺伝子 導入能を行する両組媒性のαヘリックスヘブチドと、肝 和胞表面に特異的に発現しているアシアロ糖蛋白質レセ フター(ASCR)に対する認識能を有するガラクトース(Ga 1) 基で修飾されたリジンの分岐型リガンドから成る[[[細 胞特異的遺伝子導入用ベクターに使用可能空糖修師へて チド誘導体、その製造法及び当該糖修飾ペプチド誘導体 を遺伝了DNA又はアンチセンスDNAと共に、好ましくは両 者都電的に結合した形で、含有する肝和胞に特異的な遺 伝子医薬品組成物である。尚、本発明におけるガラクト ース基による修飾には、ガラクトース基门体による修飾 は勿論、ガラクトース基を含む置換基による修飾も含ま れる。

#### [0015]

【発明の実施の形態】木発明の実施の形態について説明 する。本発明の糖修飾ペプチ下誘導体は、肝臓特異的遺伝子導入用ペクターに使用可能であり、好ましくは下記 一般式(1)で示される糖修飾ペプチドを含む。

【0016】 【化4】

【0017】 記式中、Pは両親媒性uへリックスペフチド基を表し、Qは直接結合手、即ち当該ペプチド基にリジン残基Kが直接結合すること、又は式: NH ( $H_2(H_20)_{\pm}$ - $CH_2CO$ -で示される結合手を表し、Kはリジン残基を表し、Aは直接結合手(ガラクトースを含む基とリジン残基との直接結合を表す。)、式: NH ( $CH_2CH_2\Pi_2$ -CO-で示される結合手及び式: NH ( $CH_2CH_2\Pi_2$ -CO-で示される結合手の何れかを表し、それぞれ、mは0乃至3、nは1乃至3、「は1乃至3、「は1乃至3、「以及終数を表

す。尚、nが1以上の整数を表す場合、記号mは複数存在するが、当該複数の記号mは全て相互に独立していて整数を表す、記号Zはガラクトース基を含む基を表し、複数存在する記号Zは全て相互に異なる構造を有していてもよい。又、複数結合する2基の一部は脱齢していてもよいが、多く修飾している方が好ましい。

【0018】上記化合物(I)において、Q(Qが直接結合手を表す場合は、リジン残基K)とPとは、好ましてはQの、Qが直接結合手を表す場合はリジン残基Kの、未端カルボキシル基とPのN末端アミノ基とで両者アミド結合している。又、上記化合物(I)において、Pを除いた残基は分岐鎖リガンドユニットを表し、Zは好なしくはラクトースを選元アミノ化法により残基A又はリジン残基Kの未端アミノ基に結合したガラクトース基を含む基を表し、Aは、より好ましてはカアラニンを表し、Aはリジン残基(Lys)のa位の位置でアミド結合しており、Bは、その未満アミノ基がリジン残基Kの未満カルボキシル基とアミド結合している。

【0019】上記式中、Pは両親媒性αへリックスへアチド基を、原は分岐鎖リガンドユニットを、それぞれ表す。Pは、好ましくはCDスペクトルを用いた測定によるαへリックス含量が少なくとも40%程度、好ましくは50%程度以上、より好ましくは70~100%程度であり、その測定値は緩衝液中での値である。ヘリックス構造モデリングにより片面に疎水性アミノ酸が、好ましくは片面にLys又はArgから成る親水性アミノ酸が局在することにより両親媒性を示す。全アミノ酸12~36残基から成るαへリックスペプチド基を表すことができる。

【0020】Aは、好ましくは8アラニンを表し、単は結合基(リンカー)であり、「は、より好ましくは1の格数を表す。その末端アミノ基は、好ましくはリジン残基 Rの未端カルボキシル基とアミド結合により結合している。上記結合基Qを介さないで直接結合、即ち直接アミド結合で結合することもできるが、糖の機能を十分活用するためにはスペーサーとして適当な長さの結合基を使用するのが好ましい。

【0021】当該式中、PがA末端から式: ー MRL-LABL-LABL-LRAL-LRAL-LRAL-ND。(-4。)で示される機基を表すことがより好なしい。ここで、W: トリプトファン、A: アラニン、R: アルギニン、L: ロイシンの残基である。上記ペプチドを構成するアミノ酸磁り一体、L-体、DL-体何れも採用可能であるが、生体内に投与する点でし一体が好ましい。

【0032】結合手以に結合するリジン残基(一つ目)は更に、そのも位のアミノ基がガラクトース基を含む基(m=0のとき)又は更に二つ目のリジン残基(m=1~3のとき)と結合することができる。当該二つ目のリジン残基は同様にそのも位のアミノ基がガラクトース基を含む基(m=1のとき)又は更に三つ目のリジン残基(m=2、3のとき)と結合することができる。

【0023】一方、一つ目(1つ目に同じ、)のリジン 獲基のα位は結合手术を介してガラクトース基を含む基 (n-1のとき)又は2つ目のリジン残基(n-2、3 のとき)と結合することができる。当該2つ目のリジン 残基のα位は結合手入を介して同様にガラクトース基を 含む基(ロー2のとき) 又は3つ目のリジン残基(ロー 3のとき)と結合することができる。3つ目のリジン機 基のα位のアミノ基は、結合手A、例えばタアラニン残 基等を介してガラクトース基を含む基と結合することが、 できる。勿論、前記した通り、乙基が表すガラクトース 、基を含む基底全ての末端アミノ基を修飾する必要度な く、一部脱離していてもよいが、多く修飾されている方 が好ましい。又、前記式中複数の乙の記号が存在する が、ガラクトース基を含んでおればよく、全ての2基に おいて同一の構造を有する置換基を表す必要はない。 【0024】ス、2つ目のリジン選基ので位置を入基 は、上記一つ目のリジン機基のも位のアミノ基に対する 結合と同様であり、そのと位のアミノ基がガラクトース 基を含む基(m(m))=0のとき)又は更に 1 つ目 のリジン残基(m(m))=1~3のとき)と紹合する ことができる。当該二十つ日のリジン残基が存在する場 合は同様にそのも位のアミノ基がガラクトース基を含む 基 (m (m') = 1のとき) 又は更に三'つ目のリジン 機基 (m (m') = 2、3のとき)と結合することがで きる。以下同様の結合が可能である。

【0025】尚、前記式中、一つ日(1つ日と同じ、)のリジン残基のα位に対する置換基と、中の値により、2つ目、5つ目等のリジン残基のε位に対する置換基の記号mの整数値は、相互に独立していてもよい、従って、例えば1つ目のリジン残基のε位に対する置換基のmは0、2つ目のm(m) は2、3つ目のリジン残基のε位に対する置換基のm(m) は1を表すことができ、複数の記号mは全て相互に独立しており、そのm(m,m',m',…)の値として全て同一の整数値又は0を表す必要はない。

【10026】以上のような結合様式を基に、規則的にアミノ基が分岐したデンドリマーの様な規則性を有する結合の設算体を取得できるので、より好ましい。

【0027】次に、本発明の代表的な糖修飾糖修飾ペプ チド設導体を具体的に示す:

[0028]

【化5】

Gal Gal

Gal-AAla-Lys-Lys-NH-CHg-CH2O-CH2OO-WARL(LARI)2(LRAL)3-N112

[0029]

ia] | | Gal-Bala-Lys | 【化6】

Gal- A Ala Lys- A Ala Lys -NH-CH<sub>2</sub>CH<sub>2</sub>O CH<sub>2</sub>CO- W A R L (L A R L)<sub>2</sub>(L R A L)<sub>2</sub>-NH<sub>2</sub> | Gal

【0030】上記式中、Galはガラクトース基を含む基を表し、W、A、R及びLは、前記説明の通りである。

【① 0 3 1】本発明の糖修師へアチド誘導体は、例えば下記の如くして製造することができる。下記一般式(I)で示されるペプチドとラクトースとを、還元アミノ化法により反応させて、少なくとも1個のガラクトース基を導入することにより上記一般式(I)で示される糖修師ペプチド誘導体を製造することができる。この方法により、出発物質のペプチドのアミノ基を順次ガラクトース基を含む基で修飾することが可能である。従って、一部ガラクトース基で修飾された糖修師ペプチド誘導体に対して、更にこの方法によりガラクトース基を導入する方法も本発明に含まれる。尚、下記式中に使用されるA、K、O、P、m及びn等の記号の意味は前記化合物(I)において説明されたものと同様である。又、乙基

で全て又は多くの末端アミノ基を修飾するする方が望ま しいが、一部のアミノ基が未修飾である誘導体を製造し てもよい。

【0032】 【化7】

> (A-K)m | (A-K-)n-Q-P ([])

【0033】還元アミノ化法に使用する還元剤としては、シアノ水素化ホウ素ナトリウム(NaBH<sub>3</sub>CN)等を使用するとよい。途中、生成するシッフ塩基が還元されてガラクトース基が導入される。上記製造法によれば一般的空糖鎖合成に使用されるよう空保護基を導入したガラクトースを使用することなく、ラクトースを出発原料として、副反応が少なく、簡便に製造することがで

きる。反多少時間を要するが、製造コストは低いので極めて工業的方法と考えられる。

【①①34】本発明の糖修師へプチド誘導体を肝臓用の医薬組成物として使用するためには、この糖修師へプチド誘導体と遺伝子DNA又はアンチセンスDNAと共に、好意しては両者静電的に結合した形で、含有すると肝細胞に特異的な遺伝子医薬品組成物を製造することができる、遺伝子DNAとしては、遺伝子変異が起こる疾患、例えば家族性高コレステロール血症に対する正常の足りしレセプター遺伝子、肝臓癌に対する正常の癌抑制遺伝子等が挙げられる、メ、アンチセンスDNAとしては、抗ウイルス作用を示すもの、具体的にはB型及びC型肝炎ウイルスの表面抗原に対するもの、及びエンベロープ蛋白質に対するもの等が挙げられる。又、癌遺伝子の発現を抑制するもの等が挙げられる。区、癌遺伝子の発現を抑制するもの等が挙げられる。医薬の製剤を調製するには、従来この分野での各種の製剤製造技術を最大限利用することができる。

#### [0035]

【実施例】以下、実施例により本発明を詳細に説明する、実施例において用いられる原料、試験法等は下記の通りである。

【①①36】(1) ヘアチド合成用アミノ酸誘導体、脱係護およびカップリング試薬:p-alkoxybenzyl alkohol 樹脂、Fuoc-Ala-IIH、Fuoc-Arg(MLr)-CH、Fuoc-Leu-CH、piperidine、HBTU (2-(1H-benzolriazole-1-yl)-1,1.3,3-tetramethyluronium hexafluorophosphate)、IDBt(1-hydroxybenzolriazole)(以上、何和名渡退化学工業製市販品)

【 () () 3 7 】 (2) その他合成用原料、試薬: ND<sub>2</sub>-CIL<sub>2</sub>-C H<sub>2</sub>-O-CH<sub>2</sub>(H<sub>2</sub>-IIH及び重クロム酸ビリジニウム(東京化成製市販品)

- (3) ビッカジーンコントロールベクター(プラスミドD NA): 東洋インキ製市販品を使用。
- (4) Hill-7 細胞 (JCRBO103): ビューマンサイエンス研究資源パンクから分談
- 【0038】(5) ルシフェラーゼ活性の測定方法:ビッカジーンルミネッセンスキットに準じる。東洋インキから市販されている。ルミノメーターはMultibiolumは 109505を使用した(Identhord社販売品)。
- (6) 細胞抽出液中の蛋白質の定量:バイオラッド社フ 17テインアッセイキット(バイオラッド社製市販品)を 使用。
- (7) 細胞毒性評価法: Alamer blue細胞毒性評価キット: 岩塊硝子社製市販品。

【0039】(実施図1)糖修飾4。の合成

- (1) ペプチド類の合成:ペプチド類磁p-alkoxybenzylalkohol 樹脂を担体としてFood間相法により順次アミノ般を伸長させた。
- 【 O O ·1 O 】(2) リンカー誘導体(Fuoc:-NH-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-II) -CH<sub>2</sub> CHOH)の合成:NH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-O-CH<sub>2</sub>CH<sub>3</sub>-IIHに等量のF

mic-0-Succinii面ideをジストキシエタン/水(1/1)中で 反応させ、Facci-NH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>

【0041】(3) ペプチドのアミノ末端へのリンカーの導入: さらに修飾糖が組制表面に存在するレセプターに認識されるように、分岐鎖導入の前にエチレングリコール骨格を有するリンカー(ND-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-CD<sub>2</sub>-C

【0042】(4) 枝分がは構造の導入:リンカーの導入後、ピペリジンでFunce基を除去し、Funce-bala-Lys (Funce)-OIIをリンカーのアミノ基にカップリングさせ枝分かれ構造を形成させた。糖2個修飾ペプチドの場合はアミノ末端をFunce-bala-Lys (Funce)-とした。糖3個修飾ペプチドの場合はFunce-bala-Lys (Funce)-Lys (Funce)-とし、糖4個修飾ペプチドの場合はFunce-bala-Lys (Funce)-bala-Lys (Funce)-bala-

【0043】(5) 脱樹脂、脱保護および精製:ピヘリジンでFmoc基を除去後、トリフルオロ酢酸でで、中クレソール2%、エタンジチオールでは、チオアニソール14%中で1時間室温で撹拌し、更に樹脂をろ過により除去後、軽減度2Mになるようにトリメチルシリルブロミドをろ液に添加し、0で、1時間撹拌する。減圧減縮後エーテルを添加することにより、粗ペプチドを沈殿として得た。特製は逆和HPLCにより行った。

【0044】(6) ガラクトース修飾: 特製したペプチドのアミノ基に対して12等量のラクトースを添加し、資でにおいてインキュペーションを行った。12時間毎に、NaBB<sub>B</sub>CVを1等量づつ5回反応液中に添加し、ペプチドのアミンとラクトースプ元末端の間に生じるシップ塩基を還元し、ラクトースの還元アミノ化を達成した。反応は何れのペプチドにおいても60時間程度で終結した。このようにして得られた各糖修師ペプチド誘導体はMALDITOF-MSによりその分子量を確認し、同定した。

【0045】(実施例2)糖修飾ペプチド誘導体とプラスミドDNAの結合能評価

糖修飾へアチド誘導体とアラスミドINAが複合体を形成すればその分子量は増大し、又核酸の電荷が中和されることによって、電気泳動においてその移動度が変化するはずである。そこで、100mgのアラスミドDNA(ピッカジーンコントロールベクター)に対して糖修飾ペプチド誘導体を核酸の負電荷に対してチャージ比が0.0.1,0.25、0.5、1、2、4、8になるようにIIOS中で混合する。室温で15分放置後、1%アガロース電気泳動を行い、エチジウムブロミドを用いて核酸を染色後、アラスミドINAの

移動度を評価した。

. . . .

【0046】評価の結果、糖修飾ペプチド語導体の核酸結合能は2つの糖で修飾しても、殆どその結合能には影響は認められなかったが、3個及び4個の糖で修飾した修飾していないペプチドに比べ若干強い核酸結合能を持つことが分かった。

【0047】(実施図3)糖修飾へプチドとプラスミド DNAの複合体形成

糖修飾ペプチド誘導体に含まれるアルギニン残基の正電荷に対し、プラスミドDNAに含まれるリン酸基の頂電荷をチャージ比が2.0となるようにHRS級倒液(21ml Hepes-KIH級衝液、135ml NaCl、5.0ml XCl、0.7mml Na<sub>2</sub>OPO<sub>4</sub>、pU7.4)中で割製した。具体的には、IDS緩断液に溶解させたアラスミドDNAO.5元g/μ1を5μ1を分取し、調製液の総量が250μ1となるように%、3μ1の減菌水、122.5μ1の2倍満度IBS緩衝液、26.2μ1の100μ2糖修飾へアチド認導体溶液の順に混合した。このとき、プラスミドDNAの総量は2.5μg、ヘアチド終満度は10.5μl化であった。その後、室温で約30分間放置し糖修飾へアチド設導体-DNA複合体を形成させた。

【0048】(実施网4)培養細胞IIdl-7への遺伝子導 入方法

5%から胎児血清合有的性 出地(1ml)を添加した24穴培養シャーレに1/10年間の日 ロ日7細胞を加え、5%の5雰囲気下、37℃で細胞培養を48時間行った。培地を除去し、5%から胎児血清なしの81性は地250点1を加え、30分インキュペーション後、実施例2で調製した糖修飾ペプチド誘導体-IXA溶液を細胞に追加した。37℃で3時間インキュペーション後、1mlの5%ウシ胎児血清含有限性増地を追加した。その後、24時間インキュペーションし、更に、新しい1mlの5%ウシ胎児血清含有限性増地に入れ替え、24時間インキュペーションした。

【0049】(実施例5) 導入されたフラスミドDNAからのルシフェラーゼの活性発現評価

シャーレ内の細胞集め、ピッカジーンルミネッセンス側 定キット(東洋インキ)に従い、細胞内で発現している ルシフェラーゼを定量した。その結果、糖修師ペプチド を用いた場合、修師していないペプチドに比べ20倍から 500倍のルシフェラーゼ発現を認め、糖修師により高人 効率が大きく上昇したことが認められた。メ、その発現 効率は修飾する糖の個数に依存し、3つ及び4つの糖で 修飾したときに最大のルシフェラーゼ発現が認められ た、更に、このときの発現効率はリボフェクチンを用い た場合と比較して、同等若しくは若下低いものであっ た。本糖修飾ペプチドは市販の遺伝子導入試薬と比較し て甚色のない導入効率を有していることが分かった。 【0050】更に、この糖修飾ペプチドが肝細胞表面の アシアログリコプロテインレセプターに本当に認識され て、細胞内に取り込まれているのかを確認するためは、 アシアロフェチュイン及びフェチュイン存在下で、これ る糖修飾ペプチド誘導体による遺伝子導入能について評 価した。その結果、糖修師ペプチドによる遺伝子導入効 率はアシアロフェチェイン存在下で20%から1%まで低 下した。メ、比較として、フェチュイン存在下でルシブ **ェラービ発現を評価した結果。何れのペプチドもその発** 現効率に大きな低下は認められなかった。以上のことか る。これら糖修飾ペプチドは肝細胞表面のアシアログリ コプロテインレセプターに認識されていることが示唆さ えた。一方、類似面していたいペプチドはアシアロフェ チェイン存在下ではルシフェラーゼ発現には影響を受け なかった。

【0051】(実施図6)細胞毒性評価

5%のシ胎児血清含有ダルベッコ改変イーグル培地(100 д1)を添加した第次培養シャーレに2/10 個のHで p G 2細胞を加え、5%の原芽団気下、370で細胞培養を15時間行った。5%のシ胎児血清なしのDME M培地40度1を加え、30分インキュベーション後、前記実施例 2に説明した糖修師ベブチド誘導体-DNA溶液40度1を細胞に添加した。370で3時間インキュベーション後、80度1005%のシ胎児血清含有ダルベッコ改変イーグル培地を添加し、更に、3時間インキュベーションした。アラマーブル溶液16度1を細胞に添加し、370で4時間インキュベーション後、96穴シャーレの蛍光をLabsystems Fluor oskan Hで定量し、細胞生存率を算出した。

【10052】その結果、糖修師ペプチド誘導体ープラスミドDVA複合体添加による組制生存率は何れの糖修師ペアチド誘導体においても30%から70%であり、糖の修飾個数を多くするに従って、プラスミド赤性が若下大きくなる傾向が認められた。

[0053]

【発明の効果】例えば、ヘアチド合成により両親媒性は ーペリックスペプチドの末端に分枝型は8骨格を有するペ アチドエニットを調製し、好ましくほうクトースの遺元 アミノ化によりガラクトース基を分枝鎖末端アミノ基に 導入することにより得られる糖修飾ペプチド誘導体が、 リジン残基の数でガラクトース基の個数を規定しうる肝 細胞特異的遺伝子導入用キャリアーとして使用可能であ り、これを遺伝子DNA又はアンチセンスDNAと共に、好ま しくは両者静電的に結合した形で、含有する製剤により 肝細胞に特異的空遺伝子医薬品組成物を提供可能とす る。

# This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning Operations and is not part of the Official Record

## BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:				
☐ BLACK BORDERS				
☐ IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES				
☐ FADED TEXT OR DRAWING				
☐ BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING				
☐ SKEWED/SLANTED IMAGES				
COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS				
☐ GRAY SCALE DOCUMENTS				
LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT				
☐ REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY				
OTHER:				

# IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.